

Difusión Selectiva de Información de la Biblioteca Central de Essalud



Características clínicas del primer caso de encefalitis aguda causada por el virus de la influenza aviar A (H5N6), microbios e infecciones emergentes / Libing Zhang, Kaituo Liu, Qin Su, et al. Microbios e infecciones emergentes, 2022.

Disponible en:

<https://doi.org/10.1080/22221751.2022.2122584>



Las vacunas contra la influenza bicistrónicas de ARNm autoamplificador aumentan las respuestas inmunitarias de reacción cruzada en ratones y previenen la infección en hurones / Cheng Chang, Nedzad Music, Michael Cheung, et al. Terapia Molecular. Métodos y Desarrollo Clínico, 2022.

Disponible en:

<https://doi.org/10.1016/j.omtm.2022.09.013>



Nuevos reordenamientos de H5N6 portadores del gen clade 2.3.4.4b HA del virus H5N8 han sido detectados en aves de corral y causaron múltiples infecciones humanas en China / Wenli Gu, Jianzhong Shi, Pengfei Cui, et al. Microbios e infecciones emergentes, 2022.

Disponible en:

<https://doi.org/10.1080/22221751.2022.2063076>



Implementación de un enfoque de salud en Jordania: Evaluación conjunta de riesgos de rabia e influenza aviar utilizando la herramienta operativa tripartita / Sameeh M. Abutarbush, Alaa Hamdallah, Majid Hawawsheh, et al. One Health, 2022.

Disponible en:

<https://doi.org/10.1016/j.onehlt.2022.100453>



Islandia como trampolín para la propagación del virus de la influenza aviar altamente patógena entre Europa y América del Norte / Günther, A., Krone, O., Svansson, V., et al. Enfermedades infecciosas emergentes, 2022.

Disponible en:

<https://doi.org/10.3201/eid2812.221086>

Difusión Selectiva de Información de la Biblioteca Central de Essalud



Múltiples sustituciones de HA en virus H5Nx de influenza aviar altamente patógena contribuyeron al cambio en la preferencia del subtipo NA / Khristine Joy C. Antigua, Yun Hee Baek, Won-Suk Choi, et al. Virulencia, 2022.

Disponible en:

<https://doi.org/10.1080/21505594.2022.2082672>



Diseminación global de virus de influenza H5N1 que portan el gen HA del clado 2.3.4.4b y análisis biológico de los detectados en China / Pengfei Cui, Jianzhong Shi, Congcong Wang, et al. Enfermedades infecciosas emergentes, 2022

Disponible en:

<https://doi.org/10.1080/22221751.2022.2088407>



Virus de la influenza A(H1N1) pdm09 reagrupado en una mujer mayor, Dinamarca, enero de 2021 / Jakob N. Nissen, Sophie J. George, Charlotte K. Hjulsager, et al. Enfermedades infecciosas emergentes, 2021.

Disponible en:

https://wwwnc.cdc.gov/eid/article/27/12/21-1361_article



Mortalidad masiva causada por el virus de la influenza A(H5N1) altamente patógena en charranes sándwich, Países Bajos, 2022 / Rijks, J.M., Leopold, M.F., Kühn, S., et al. Enfermedades infecciosas emergentes, 2022.

Disponible en:

<https://doi.org/10.3201/eid2812.221292>



Circulación y estacionalidad de los virus de la influenza en diferentes zonas de transmisión en África. Implicaciones de la etnia / Belizaire, MRD, N'gattia, AK, Wassonguema, B. et al. BMC Enfermedades Infecciosas, 2022.

Disponible en:

<https://doi.org/10.1186/s12879-022-07727-2>